

**Anhang Tabelle D2: Differenziell exprimierte Gene in WHO II / III Meningeomen im Vergleich zu WHO I Meningeomen**

Spot ID	Gene ID	Symbol	Gename	Chrom. Lokalisation	Expression in WHOII/III Meningeomen im Vergleich zu WHOI Meningeomen	Faktor
GE79185	10551	AGR2	anterior gradient 2 homolog (Xenopus laevis)	7p21.3	überexprimiert	53,4110999
GE58358	761	CA3	carbonic anhydrase III, muscle specific	8q13-q22	überexprimiert	36,0943072
GE79183	3481	IGF2	insulin-like growth factor 2 (somatomedin A)	11p15.5	überexprimiert	8,09146593
GE57599	5266	PI3	peptidase inhibitor 3, skin-derived (SKALP)	20q12-q13	überexprimiert	7,17061768
GE61335	6696	SPP1	secreted phosphoprotein 1 (osteopontin, bone sialoprotein I, early T-lymphocyte activation 1)	4q21-q25	überexprimiert	7,02266918
GE55693	1825	DSC3	desmocollin 3	18q12.1	überexprimiert	6,42124662
GE54714	8622	PDE8B	phosphodiesterase 8B	5q14.1	überexprimiert	5,7838238
GE81172	5307	PITX1	paired-like homeodomain transcription factor 1	5q31	überexprimiert	5,52794653
GE82366	4585	MUC4	mucin 4, cell surface associated	3q29	überexprimiert	4,89521786
GE83164	6289	SAA2	serum amyloid A2	11p15.1-p14	überexprimiert	4,7644004
GE53052	23504	RIMBP2	RIMS binding protein 2	12q24.33	überexprimiert	4,56650197
GE62126	27123	DKK2	dickkopf homolog 2 (Xenopus laevis)	4q25	überexprimiert	4,43594714
GE532144	286485			Xq21.32	überexprimiert	4,23622908
GE62180	3576	IL8	interleukin 8	4q13-q21	überexprimiert	4,21006542
GE501643	284085			17p11.2	überexprimiert	4,17491212
GE85411	92421	CHMP4C	chromatin modifying protein 4C	8q21.13	überexprimiert	4,15815976
GE79057	284085			17p11.2	überexprimiert	3,9887199
GE59543	8334	HIST1H2AC	histone cluster 1, H2ac	6p21.3	überexprimiert	3,87778764
GE836286	165186			2p13.1	überexprimiert	3,87323671
GE61627	84525			4q11-q12	überexprimiert	3,82889437
GE58432	11096	ADAMTS5	ADAM metallopeptidase with thrombospondin type 1 motif, 5 (aggrecanase-2)	21q21.3	überexprimiert	3,80076395
GE81258	7138	TNNT1	troponin T type 1 (skeletal, slow)	19q13.4	überexprimiert	3,76258113
GE86856	8365	HIST1H4H	histone cluster 1, H4h	6p21.3	überexprimiert	3,73043851
GE751999	375323	LHFPL4	lipoma HMGIC fusion partner-like 4	3q29	überexprimiert	3,66492338
GE61097	2350	FOLR2	folate receptor 2 (fetal)	11q13.3-q13.5	überexprimiert	3,66258776
GE87794	84634	KISS1R	KISS1 receptor	19p13.3	überexprimiert	3,65661463
GE83596	66037	BOLL	bol, boule-like (Drosophila)	2q33	überexprimiert	3,56583785
GE53776	51559	NT5DC3	5'-nucleotidase domain containing 3	12q22-q23.1	überexprimiert	3,53751893

GE56001	25984	KRT23	keratin 23 (histone deacetylase inducible)	17q21.2	überexprimiert	3,42068626
GE62342	9493	KIF23	kinesin family member 23	15q23	überexprimiert	3,27918309
GE62630	6752	SSTR2	somatostatin receptor 2	17q24	überexprimiert	3,27429774
GE552546	389656				überexprimiert	3,26275984
GE58575	9200	PTPLA	protein tyrosine phosphatase-like (proline instead of catalytic arginine), member A	10p14-p13	überexprimiert	3,1424208
GE80921	3239	HOXD13	homeobox D13	2q31.1	überexprimiert	3,13728443
GE890954	256536	TCERG1L	transcription elongation regulator 1-like	9q21.11	überexprimiert	3,10540682
GE530932	7545	ZIC1	Zic family member 1 (odd-paired homolog, Drosophila)	3q24	überexprimiert	3,03063364
GE81293	8330	HIST1H2AK	histone cluster 1, H2ak	6p22-p21.3	überexprimiert	2,99893238
GE80166	4496	MT1H	metallothionein 1H	16q13	überexprimiert	2,97510138
GE56932	112399	EGLN3	egl nine homolog 3 (C. elegans)	14q13.1	überexprimiert	2,9578448
GE78999	135112	NCOA7	nuclear receptor coactivator 7	6q22.31-q22.32	überexprimiert	2,92129448
GE81092	1848	DUSP6	dual specificity phosphatase 6	12q22-q23	überexprimiert	2,90146901
GE86860	64168	EFCBP1	EF-hand calcium binding protein 1	8q21.3	überexprimiert	2,88836192
GE82475	56245	C21orf62	chromosome 21 open reading frame 62	21q22.1	überexprimiert	2,86751507
GE54758	6000	RGS7	regulator of G-protein signalling 7	1q43	überexprimiert	2,85744493
GE882451	84310			7p22.3	überexprimiert	2,85331941
GE894465	145741			15q22.2	überexprimiert	2,83792604
GE59802	1164	CKS2	CDC28 protein kinase regulatory subunit 2	9q22	überexprimiert	2,82609617
GE81433	9162	DGKI	diacylglycerol kinase, iota	7q32.3-q33	überexprimiert	2,8153708
GE87846	10160	FARP1	FERM, RhoGEF (ARHGEF) and pleckstrin domain protein 1 (chondrocyte-derived)	13q32.2	überexprimiert	2,79881554
GE84544	64344	HIF3A	hypoxia inducible factor 3, alpha subunit	19q13.32	überexprimiert	2,7950137
GE59346	2150	F2RL1	coagulation factor II (thrombin) receptor-like 1	5q13	überexprimiert	2,79403752
GE79415	140683	C20orf70	chromosome 20 open reading frame 70	20q11.21	überexprimiert	2,78924467
GE53346	23242	COBL	cordon-bleu homolog (mouse)	7p12.1	überexprimiert	2,7884047
GE80079	6280	S100A9	S100 calcium binding protein A9	1q21	überexprimiert	2,76921628
GE624182	146909			17q11.2	überexprimiert	2,74851374
GE59231	23647	ARFIP2	ADP-ribosylation factor interacting protein 2 (arfaptin 2)	11p15	überexprimiert	2,73428742
GE82069	51015	ISOC1	isochorismatase domain containing 1	5q22.1-q33.3	überexprimiert	2,72428345

GE85637	3117	HLA-DQA1	major histocompatibility complex, class II, DQ alpha 1	6p21.3	überexprimiert	2,72183648
GE538082	1488	CTBP2	C-terminal binding protein 2	10q26.13	überexprimiert	2,70540079
GE58208	2052	EPHX1	epoxide hydrolase 1, microsomal (xenobiotic)	1q42.1	überexprimiert	2,69708984
GE54980	22822	PHLDA1	pleckstrin homology-like domain, family A, member 1	12q15	überexprimiert	2,69202917
GE81944	23193	GANAB	glucosidase, alpha; neutral AB	11q12.3	überexprimiert	2,68827321
GE57542	2821	GPI	glucose phosphate isomerase	19q13.1	überexprimiert	2,67208209
GE79334	8365	HIST1H4H	histone cluster 1, H4h	6p21.3	überexprimiert	2,6712541
GE59896	2531	FVT1	follicular lymphoma variant translocation 1	18q21.3	überexprimiert	2,666624
GE864296	343099	CCDC18	coiled-coil domain containing 18	1q23.2	überexprimiert	2,65915721
GE87534	79822	ARHGAP28	Rho GTPase activating protein 28	18p11.31	überexprimiert	2,65201341
GE53799	89796	NAV1	neuron navigator 1		überexprimiert	2,64884524
GE58221	268	AMH	anti-Mullerian hormone	19p13.3	überexprimiert	2,64209169
GE87422	8862	APLN	apelin, AGTRL1 ligand	Xq25-26.3	überexprimiert	2,63433113
GE59318	4085	MAD2L1	MAD2 mitotic arrest deficient-like 1 (yeast)	4q27	überexprimiert	2,63022231
GE82100	10131	TRAP1	TNF receptor-associated protein 1	16p13.3	überexprimiert	2,62079232
GE59246	6783	SULT1E1	sulfotransferase family 1E, estrogen-preferring, member 1	4q13.1	überexprimiert	2,61800665
GE88365	284217	LAMA1	laminin, alpha 1	18p11.22	überexprimiert	2,58588366
GE54560	8601	RGS20	regulator of G-protein signalling 20	8q12.1	überexprimiert	2,58552931
GE88095	4145	MATK	megakaryocyte-associated tyrosine kinase	19p13.3	überexprimiert	2,57946693
GE546443	4281	MID1	midline 1 (Opitz/BBB syndrome)	Xp22	überexprimiert	2,57844267
GE59494	8532	CPZ	carboxypeptidase Z	4p16.1	überexprimiert	2,57528193
GE59599	9319	TRIP13	thyroid hormone receptor interactor 13	5p15.33	überexprimiert	2,57517582
GE62561	8329	HIST1H2AI	histone cluster 1, H2ai	6p22-p21.3	überexprimiert	2,57498352
GE57251	9686	VGLL4	vestigial like 4 (Drosophila)	3p25.2	überexprimiert	2,5485174
GE80923	3861	KRT14	keratin 14 (epidermolysis bullosa simplex, Dowling-Meara, Koebner)	17q12-q21	überexprimiert	2,5331013
GE53032	1515	CTSL2	cathepsin L2	9q22.2	überexprimiert	2,5320943
GE60485	5740	PTGIS	prostaglandin I2 (prostacyclin) synthase	20q13.13	überexprimiert	2,52446841
GE81254	7082	TJP1	tight junction protein 1 (zona occludens 1)	15q13	überexprimiert	2,51606508
GE57939	163	AP2B1	adaptor-related protein complex 2, beta 1 subunit	17q11.2-q12	überexprimiert	2,50161354
GE553273	85236	HIST1H2BK	histone cluster 1, H2bk	6p21.33	überexprimiert	2,50127565

GE86385	6687	SPG7	spastic paraplegia 7, paraplegin (pure and complicated autosomal recessive)	16q24.3	überexprimiert	2,49991875
GE61567	3075	CFH	complement factor H	1q32	überexprimiert	2,49727797
GE81532	4205	MEF2A	MADS box transcription enhancer factor 2, polypeptide A (myocyte enhancer factor 2A)	15q26	überexprimiert	2,49727797
GE82766	78999	LRFN4	leucine rich repeat and fibronectin type III domain containing 4	11q13.1	überexprimiert	2,49490416
GE61615	29956	LASS2	LAG1 homolog, ceramide synthase 2 (S. cerevisiae)	1q21.2	überexprimiert	2,49301955
GE61577	51202	DDX47	DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) box polypeptide 47	12p13.1	überexprimiert	2,48852789
GE899558	5270	SERPINE2	serpin peptidase inhibitor, clade E (nexin, plasminogen activator inhibitor type 1), member 2	2q33-q35	überexprimiert	2,48499683
GE56076	1832	DSP	desmoplakin	6p24	überexprimiert	2,48200546
GE82658	64065	PERP	PERP, TP53 apoptosis effector	6q24	überexprimiert	2,47319673
GE82594	29968	PSAT1	phosphoserine aminotransferase 1	9q21.2	überexprimiert	2,46698557
GE60343	10939	AFG3L2	AFG3 ATPase family gene 3-like 2 (yeast)	18p11	überexprimiert	2,46037565
GE631286	153	ADRB1	adrenergic, beta-1-, receptor	10q24-q26	überexprimiert	2,45554843
GE54131	8795	TNFRSF10B	tumor necrosis factor receptor superfamily, member 10b	8p22-p21	überexprimiert	2,45463226
GE62197	64942				überexprimiert	2,45418647
GE88765	51200	CPA4	carboxypeptidase A4	7q32	überexprimiert	2,44584292
GE59088	1642	DDB1	damage-specific DNA binding protein 1, 127kDa	11q12-q13	überexprimiert	2,43857831
GE559694	388376			17q21.31	überexprimiert	2,4382394
GE61333	7009	TEGT	testis enhanced gene transcript (BAX inhibitor 1)	12q12-q13	überexprimiert	2,42969673
GE59831	8349	HIST2H2BE	histone cluster 2, H2be	1q21-q23	überexprimiert	2,42665437
GE62898	10594	PRPF8	PRP8 pre-mRNA processing factor 8 homolog (S. cerevisiae)	17p13.3	überexprimiert	2,42350803
GE57767	1299	COL9A3	collagen, type IX, alpha 3	20q13.3	überexprimiert	2,4229267
GE57875	488	ATP2A2	ATPase, Ca <sup>++</sup> transporting, cardiac muscle, slow twitch 2	12q23-q24.1	überexprimiert	2,42262734
GE79985	4060	LUM	lumican	12q21.3-q22	überexprimiert	2,42049286
GE80257	56901	NDUFA4L2	NADH dehydrogenase (ubiquinone) 1 alpha subcomplex, 4-like 2	12q13.3	überexprimiert	2,41777159
GE59727	3234	HOXD8	homeobox D8	2q31.1	überexprimiert	2,41295855
GE61336	1509	CTSD	cathepsin D (lysosomal aspartyl peptidase)	11p15.5	überexprimiert	2,41072483

GE88734	57722			15q22.31	überexprimiert	2,40919155
GE57886	891	CCNB1	cyclin B1	5q12	überexprimiert	2,40646666
GE54030	9086	EIF1AY	eukaryotic translation initiation factor 1A, Y-linked	Yq11.222	überexprimiert	2,39623695
GE474348	283450	C12orf51	chromosome 12 open reading frame 51	12q24.22-q24.23	überexprimiert	2,39438373
GE563052	200916	RPL22L1	ribosomal protein L22-like 1	3p21.31	überexprimiert	2,39398822
GE57538	7083	TK1	thymidine kinase 1, soluble	17q23.2-q25.3	überexprimiert	2,39114321
GE56310	5954	RCN1	reticulocalbin 1, EF-hand calcium binding domain	11p13	überexprimiert	2,3908345
GE79297	7139	TNNT2	troponin T type 2 (cardiac)	1q32	überexprimiert	2,38892114
GE56818	8733	GPAA1	glycosylphosphatidylinositol anchor attachment protein 1 homolog (yeast)	8q24.3	überexprimiert	2,38183139
GE54606	51338	MS4A4A	membrane-spanning 4-domains, subfamily A, member 4	11q12	überexprimiert	2,37522357
GE504811	8329	HIST1H2AI	histone cluster 1, H2ai	6p22-p21.3	überexprimiert	2,37459751
GE62452	641	BLM	Bloom syndrome	15q26.1	überexprimiert	2,37213032
GE80929	960	CD44	CD44 molecule (Indian blood group)	11p13	überexprimiert	2,36604629
GE63182	3017	HIST1H2BD	histone cluster 1, H2bd	6p21.3	überexprimiert	2,36563769
GE58291	5947	RBP1	retinol binding protein 1, cellular	3q23	überexprimiert	2,36451897
GE78986	84962	JUB	jub, ajuba homolog ( <i>Xenopus laevis</i> )	14q11.2	überexprimiert	2,36194435
GE60367	90	ACVR1	activin A receptor, type I	2q23-q24	überexprimiert	2,36018834
GE62674	83661	MS4A8B	membrane-spanning 4-domains, subfamily A, member 8B	11q12.2	überexprimiert	2,35535195
GE82569	57717	PCDHB16	protocadherin beta 16	5q31	überexprimiert	2,3549304
GE83610	85409	NKD2	naked cuticle homolog 2 ( <i>Drosophila</i> )	5p15.3	überexprimiert	2,35247622
GE54970	27242	TNFRSF21	tumor necrosis factor receptor superfamily, member 21	6p21.1-12.2	überexprimiert	2,35085583
GE84198	10395	DLC1	deleted in liver cancer 1	8p22	überexprimiert	2,3418052
GE79790	9124	PDLIM1	PDZ and LIM domain 1 (elfin)	10q22-q26.3	überexprimiert	2,33745348
GE57549	1294	COL7A1	collagen, type VII, alpha 1 (epidermolysis bullosa, dystrophic, dominant and recessive)	3p21.1	überexprimiert	2,33632305
GE53723	23211	C19orf7	chromosome 19 open reading frame 7	19q13.32	überexprimiert	2,33522097
GE55708	55789	DEPDC1B	DEP domain containing 1B	5q12.1	überexprimiert	2,32409506
GE88594	6242	RTKN	rhotekin	2p13.1	überexprimiert	2,32345246
GE61743	7079	TIMP4	TIMP metalloproteinase inhibitor 4	3p25	überexprimiert	2,3222061
GE81491	3006	HIST1H1C	histone cluster 1, H1c	6p21.3	überexprimiert	2,31381323
GE57082	9768	KIAA0101	KIAA0101	15q22.31	überexprimiert	2,31225635

GE62928	1117	CHI3L2	chitinase 3-like 2	1p13.3	überexprimiert	2,30992227
GE53387	9749	PHACTR2	phosphatase and actin regulator 2	6q24.2	überexprimiert	2,30809889
GE54493	1434	CSE1L	CSE1 chromosome segregation 1-like (yeast)	20q13	überexprimiert	2,30701795
GE88490	6426	SFRS1	splicing factor, arginine/serine-rich 1 (splicing factor 2, alternate splicing factor)	17q21.3-q22	überexprimiert	2,30563497
GE82211	54852	PAQR5	progesterin and adipoQ receptor family member V	15q23	überexprimiert	2,30434392
GE53154	51435	SCARA3	scavenger receptor class A, member 3	8p21	überexprimiert	2,30379712
GE86404	10444	ZYG11BL	zyg-11 homolog B (C. elegans)-like	9q34.11	überexprimiert	2,29862864
GE487204	5936	RBM4	RNA binding motif protein 4	11q13	überexprimiert	2,29812152
GE60460	4982	TNFRSF11B	tumor necrosis factor receptor superfamily, member 11b (osteoprotegerin)	8q24	überexprimiert	2,29224259
GE58269	1368	CPM	carboxypeptidase M	12q14.3	überexprimiert	2,28691132
GE82571	57758	SCUBE2	signal peptide, CUB domain, EGF-like 2	11p15.3	überexprimiert	2,28562025
GE58921	8833	GMPS	guanine monphosphate synthetase	3q24	überexprimiert	2,28424193
GE534699	8346	HIST1H2BI	histone cluster 1, H2bi	6p21.3	überexprimiert	2,28409062
GE79508	2028	ENPEP	glutamyl aminopeptidase (aminopeptidase A)	4q25	überexprimiert	2,27824684
GE57348	7267	TTC3	tetratricopeptide repeat domain 3	21q22.2	überexprimiert	2,27632801
GE53772	6319	SCD	stearoyl-CoA desaturase (delta-9-desaturase)	10q23-q24	überexprimiert	2,27151408
GE59607	5768	QSCN6	quiescin Q6	1q24	überexprimiert	2,26924604
GE82451	56126	PCDHB10	protocadherin beta 10	5q31	überexprimiert	2,26830408
GE61352	8663	EIF3S8	eukaryotic translation initiation factor 3, subunit 8, 110kDa	16p11.2	überexprimiert	2,26484151
GE81145	4015	LOX	lysyl oxidase	5q23.2	überexprimiert	2,25983594
GE62540	11329	STK38	serine/threonine kinase 38	6p21	überexprimiert	2,25600209
GE57829	2162	F13A1	coagulation factor XIII, A1 polypeptide	6p25.3-p24.3	überexprimiert	2,25519823
GE60339	10389	SCML2	sex comb on midleg-like 2 (Drosophila)	Xp22	überexprimiert	2,25437461
GE61251	1075	CTSC	cathepsin C	11q14.1-q14.3	überexprimiert	2,25197836
GE82130	51523	CXXC5	CXXC finger 5	5q31.3	überexprimiert	2,25135982
GE80775	81502	HM13	histocompatibility (minor) 13	20q11.21	überexprimiert	2,24637828
GE62443	9833	MELK	maternal embryonic leucine zipper kinase	9p13.2	überexprimiert	2,24322881
GE88063	4122	MAN2A2	mannosidase, alpha, class 2A, member 2	15q26.1	überexprimiert	2,24130821

GE82091	51422	PRKAG2	protein kinase, AMP-activated, gamma 2 non-catalytic subunit	7q36.1	überexprimiert	2,24009319
GE58105	23514	KIAA0146	KIAA0146	8q11.21	überexprimiert	2,23748185
GE59492	8904	CPNE1	copine I	20q11.22	überexprimiert	2,23489157
GE80056	744	MPPED2	metallophosphoesterase domain containing 2	11p13	überexprimiert	2,23252159
GE54871	388389	CCDC103	coiled-coil domain containing 103	17q25.1	überexprimiert	2,22636326
GE872199	392191			Xq22.1	überexprimiert	2,22526837
GE565539	10744	PTTG2	pituitary tumor-transforming 2	4p12	überexprimiert	2,22422402
GE84097	26035	GLCE	UDP-glucuronic acid epimerase	15q23	überexprimiert	2,2217285
GE88012	1288	COL4A6	collagen, type IV, alpha 6	Xq22	überexprimiert	2,22151627
GE81722	11138	TBC1D8	TBC1 domain family, member 8 (with GRAM domain)	2q11.2	überexprimiert	2,2211462
GE56472	26167	PCDHB5	protocadherin beta 5	5q31	überexprimiert	2,21895789
GE59386	11065	UBE2C	ubiquitin-conjugating enzyme E2C	20q13.12	überexprimiert	2,21555586
GE79766	55916	NXT2	nuclear transport factor 2-like export factor 2	Xq22.3	überexprimiert	2,21512398
GE57871	2806	GOT2	glutamic-oxaloacetic transaminase 2, mitochondrial (aspartate aminotransferase 2)	16q21	überexprimiert	2,21434898
GE522339	90139	TSPAN18	tetraspanin 18	11p11.2	überexprimiert	2,21076066
GE88565	3125	HLA-DRB3	major histocompatibility complex, class II, DR beta 3	6p21.3	überexprimiert	2,20903673
GE58110	987	LRBA	LPS-responsive vesicle trafficking, beach and anchor containing	4q31.3	überexprimiert	2,20830987
GE61922	51203	NUSAP1	nucleolar and spindle associated protein 1	15q15.1	überexprimiert	2,20675045
GE61871	3233	HOXD4	homeobox D4	2q31.1	überexprimiert	2,2065362
GE725697	377007			8q22.3	überexprimiert	2,20465844
GE61626	57122	NUP107	nucleoporin 107kDa	12q15	überexprimiert	2,20427939
GE787222	125058	TBC1D16	TBC1 domain family, member 16	17q25.3	überexprimiert	2,20349739
GE59745	5045	FURIN	furin (paired basic amino acid cleaving enzyme)	15q26.1	überexprimiert	2,20252674
GE60333	8626	TP73L	tumor protein p73-like	3q28	überexprimiert	2,20127101
GE54150	80781	COL18A1	collagen, type XVIII, alpha 1	21q22.3	überexprimiert	2,1989089
GE87821	399909	PCNXL3	pecanex-like 3 (Drosophila)		überexprimiert	2,19688964
GE81306	8440	NCK2	NCK adaptor protein 2	2q12	überexprimiert	2,19632028
GE540150	400567				überexprimiert	2,19472476
GE53087	9201	DCAMKL1	doublecortin and CaM kinase-like 1	13q13	überexprimiert	2,19400247
GE57087	8021	NUP214	nucleoporin 214kDa	9q34.1	überexprimiert	2,19251126
GE79004	30851	TAX1BP3	Tax1 (human T-cell leukemia virus type I) binding protein 3	17p13	überexprimiert	2,19096926
GE59614	5230	PGK1	phosphoglycerate kinase 1	Xq13	überexprimiert	2,18880165

GE61486	3838	KPNA2	karyopherin alpha 2 (RAG cohort 1, importin alpha 1)	17q23.1-q23.3	überexprimiert	2,18876333
GE733136	10642	IGF2BP1	insulin-like growth factor 2 mRNA binding protein 1	17q21.32	überexprimiert	2,18621287
GE61561	29959	NRBP1	nuclear receptor binding protein 1	2p23	überexprimiert	2,18409282
GE634472	153733	CCDC112	coiled-coil domain containing 112	5q32	überexprimiert	2,18326787
GE84543	83988	NCALD	neurocalcin delta	8q22.2	überexprimiert	2,18262456
GE63201	1285	COL4A3	collagen, type IV, alpha 3 (Goodpasture antigen)	2q36-q37	überexprimiert	2,17957995
GE58215	6662	SOX9	SRY (sex determining region Y)-box 9 (campomelic dysplasia, autosomal sex-reversal)	17q24.3-q25.1	überexprimiert	2,17568197
GE85161	112399	EGLN3	egl nine homolog 3 (C. elegans)	14q13.1	überexprimiert	2,17236405
GE57128	5214	PFKP	phosphofructokinase, platelet	10p15.3-p15.2	überexprimiert	2,16962097
GE56999	91768	CABLES1	Cdk5 and Abl enzyme substrate 1	18q11.2	überexprimiert	2,16797938
GE56738	1781	DYNC1I2	dynein, cytoplasmic 1, intermediate chain 2	2q31.1	überexprimiert	2,16705385
GE894502	8344	HIST1H2BE	histone cluster 1, H2be	6p21.3	überexprimiert	2,16466147
GE62727	2873	GPS1	G protein pathway suppressor 1	17q25.3	überexprimiert	2,15668767
GE57174	16	AARS	alanyl-tRNA synthetase	16q22	überexprimiert	2,15571599
GE62041	10421	CD2BP2	CD2 (cytoplasmic tail) binding protein 2	16p11.2	überexprimiert	2,15180558
GE58245	287	ANK2	ankyrin 2, neuronal	4q25-q27	überexprimiert	2,14889708
GE85569	81575	APOLD1	apolipoprotein L domain containing 1	12p13.1	überexprimiert	2,14759566
GE667150	121793	C13orf16	chromosome 13 open reading frame 16	13q34	überexprimiert	2,14721292
GE61113	2316	FLNA	filamin A, alpha (actin binding protein 280)	Xq28	überexprimiert	2,14597801
GE56866	55355			2q37.1	überexprimiert	2,14396282
GE85773	4781	NFIB	nuclear factor I/B	9p24.1	überexprimiert	2,14252046
GE56387	6305	SBF1	SET binding factor 1	22q13.33	überexprimiert	2,14026895
GE58178	3730	KAL1	Kallmann syndrome 1 sequence	Xp22.32	überexprimiert	2,14007657
GE78964	9133	CCNB2	cyclin B2	15q22.2	überexprimiert	2,13791246
GE87525	64344	HIF3A	hypoxia inducible factor 3, alpha subunit	19q13.32	überexprimiert	2,13688455
GE87944	91133	L3MBTL4	l(3)mbt-like 4 (Drosophila)	18p11.31	überexprimiert	2,13650105
GE63052	56475	RPRM	reprimin, TP53 dependent G2 arrest mediator candidate	2q23.3	überexprimiert	2,13616789
GE58029	2769	GNA15	guanine nucleotide binding protein (G protein), alpha 15 (Gq class)	19p13.3	überexprimiert	2,13251445
GE53179	9788	MTSS1	metastasis suppressor 1	8p22	überexprimiert	2,13140541
GE58378	10112	KIF20A	kinesin family member 20A	5q31	überexprimiert	2,12646966

GE57229	10954	PDIA5	protein disulfide isomerase family A, member 5	3q21.1	überexprimiert	2,11708765
GE81267	7349	UCN	urocortin	2p23-p21	überexprimiert	2,11302128
GE79414	6581	SLC22A3	solute carrier family 22 (extraneuronal monoamine transporter), member 3	6q26-q27	überexprimiert	2,1117451
GE563350	3552	IL1A	interleukin 1, alpha	2q14	überexprimiert	2,11165146
GE62465	3832	KIF11	kinesin family member 11	10q24.1	überexprimiert	2,11133937
GE79947	7076	TIMP1	TIMP metalloproteinase inhibitor 1	Xp11.3-p11.23	überexprimiert	2,11031013
GE79677	3600	IL15	interleukin 15	4q31	überexprimiert	2,10745491
GE59907	7123	CLEC3B	C-type lectin domain family 3, member B	3p22-p21.3	überexprimiert	2,10688213
GE62988	3485	IGFBP2	insulin-like growth factor binding protein 2, 36kDa	2q33-q34	überexprimiert	2,10476245
GE58494	25818	KLK5	kallikrein-related peptidase 5	19q13.3-q13.4	überexprimiert	2,10379714
GE57653	4015	LOX	lysyl oxidase	5q23.2	überexprimiert	2,10054908
GE57506	1301	COL11A1	collagen, type XI, alpha 1	1p21	überexprimiert	2,09949948
GE80773	79441	C4orf15	chromosome 4 open reading frame 15	4p16.3	überexprimiert	2,09908962
GE842577	2949	GSTM5	glutathione S-transferase M5	1p13.3	überexprimiert	2,097465
GE82558	57405	SPBC25	spindle pole body component 25 homolog ( <i>S. cerevisiae</i> )	2q24.3	überexprimiert	2,0922428
GE80881	348	APOE	apolipoprotein E	19q13.2	überexprimiert	2,09081234
GE511795	389831				überexprimiert	2,08979865
GE58697	51156	SERPINA10	serpin peptidase inhibitor, clade A (alpha-1 antitrypsin), member 10	14q32.13	überexprimiert	2,08904339
GE59394	332	BIRC5	baculoviral IAP repeat-containing 5 (survivin)	17q25	überexprimiert	2,08639338
GE62718	4026	LPP	LIM domain containing preferred translocation partner in lipoma	3q28	überexprimiert	2,08583199
GE55780	55165	CEP55	centrosomal protein 55kDa	10q23.33	überexprimiert	2,08389338
GE58413	10894	XLKD1	1	11p15	überexprimiert	2,08246564
GE766600	421	ARVCF	armadillo repeat gene deletes in velocardiofacial syndrome	22q11.21	überexprimiert	2,07891132
GE56609	4969	OGN	osteo glycin (osteoinductive factor, mimecan)	9q22	überexprimiert	2,07854402
GE81744	22914	KLRK1	killer cell lectin-like receptor subfamily K, member 1	12p13.2-p12.3	überexprimiert	2,06887705
GE622996	127707	KLHDC7A	kelch domain containing 7A	1p36.13	überexprimiert	2,06862027
GE500964	56000	NXF3	nuclear RNA export factor 3	Xq22-q23	überexprimiert	2,06856464
GE57570	833	CARS	cysteinyl-tRNA synthetase	11p15.5	überexprimiert	2,06635478

GE87420	84152	PPP1R1B	protein phosphatase 1, regulatory (inhibitor) subunit 1B (dopamine and cAMP regulated phosphoprotein, DARPP-32)	17q12	überexprimiert	2,06451613
GE57706	9413	C9orf61	chromosome 9 open reading frame 61	9q13-q21	überexprimiert	2,06154963
GE57311	23189	ANKRD15	ankyrin repeat domain 15	9p24.3	überexprimiert	2,0606193
GE88450	1824	DSC2	desmocollin 2	18q12.1	überexprimiert	2,05841366
GE79813	26999	CYFIP2	cytoplasmic FMR1 interacting protein 2	5q33.3	überexprimiert	2,05657642
GE57247	7048	TGFBR2	transforming growth factor, beta receptor II (70/80kDa)	3p22	überexprimiert	2,05575199
GE61537	26035	GLCE	UDP-glucuronic acid epimerase	15q23	überexprimiert	2,05492823
GE54414	8440	NCK2	NCK adaptor protein 2	2q12	überexprimiert	2,05487756
GE53447	23367	LARP1	La ribonucleoprotein domain family, member 1	5q33.2	überexprimiert	2,054734
GE87081	3099	HK2	hexokinase 2	2p13	überexprimiert	2,05380138
GE56678	60685	ZFAND3	zinc finger, AN1-type domain 3	6pter-p22.3	überexprimiert	2,04781232
GE59832	2625	GATA3	GATA binding protein 3	10p15	überexprimiert	2,04761524
GE81486	2825	GPR1	G protein-coupled receptor 1	2q33.3	überexprimiert	2,04496887
GE54128	2902	GRIN1	glutamate receptor, ionotropic, N-methyl D-aspartate 1	9q34.3	überexprimiert	2,04460092
GE61133	1760	DMPK	dystrophia myotonica-protein kinase	19q13.3	überexprimiert	2,04438775
GE61833	57338	JPH3	junctophilin 3	16q24.3	überexprimiert	2,04310544
GE650985	285188			3p24.2	überexprimiert	2,04283415
GE88382	22822	PHLDA1	pleckstrin homology-like domain, family A, member 1	12q15	überexprimiert	2,04033747
GE79069	9572	NR1D1	nuclear receptor subfamily 1, group D, member 1	17q11.2	überexprimiert	2,04032498
GE57208	23173	METAP1	methionyl aminopeptidase 1	4q23	überexprimiert	2,04030001
GE87668	79581	GPR172A	G protein-coupled receptor 172A	8q24.3	überexprimiert	2,03835782
GE59177	5538	PPT1	palmitoyl-protein thioesterase 1 (ceroid-lipofuscinosis, neuronal 1, infantile)	1p32	überexprimiert	2,03833704
GE85915	6690	SPINK1	serine peptidase inhibitor, Kazal type 1	5q32	überexprimiert	2,03609176
GE79974	401141			4q22.1	überexprimiert	2,03464181
GE82541	57143	ADCK1	aarF domain containing kinase 1	14q24.3	überexprimiert	2,03387211
GE547671	5273	SERPINB10	serpin peptidase inhibitor, clade B (ovalbumin), member 10	18q21.3	überexprimiert	2,03137664
GE88766	57381	RHOJ	ras homolog gene family, member J	14q23.2	überexprimiert	2,03120335
GE60185	9976	CLEC2B	C-type lectin domain family 2, member B	12p13-p12	überexprimiert	2,03023425

GE85724	2907	GRINA	glutamate receptor, ionotropic, N-methyl D-aspartate-associated protein 1 (glutamate binding)	8q24.3	überexprimiert	2,02742703
GE54356	4281	MID1	midline 1 (Opitz/BBB syndrome)	Xp22	überexprimiert	2,02728729
GE61433	2263	FGFR2	fibroblast growth factor receptor 2 (bacteria-expressed kinase, keratinocyte growth factor receptor, craniofacial dysostosis 1, Crouzon syndrome, Pfeiffer syndrome, Jackson-Weiss syndrome)	10q26	überexprimiert	2,02701607
GE80391	26995	TRUB2	TruB pseudouridine (psi) synthase homolog 2 (E. coli)	9q34.11	überexprimiert	2,02655599
GE59018	6472	SHMT2	serine hydroxymethyltransferase 2 (mitochondrial)	12q12-q14	überexprimiert	2,02589499
GE818582	401224	AACSL	acetoacetyl-CoA synthetase-like	6p22.3	überexprimiert	2,02549285
GE62792	84899	TMTC4	transmembrane and tetratricopeptide repeat containing 4	13q32.3	überexprimiert	2,02297697
GE53506	22872	SEC31A	SEC31 homolog A (S. cerevisiae)	4q21.22	überexprimiert	2,02258417
GE59546	9124	PDLIM1	PDZ and LIM domain 1 (elfin)	10q22-q26.3	überexprimiert	2,02148434
GE79815	1907	EDN2	endothelin 2	1p34	überexprimiert	2,02072455
GE56068	3400	ID4	inhibitor of DNA binding 4, dominant negative helix-loop-helix protein	6p22-p21	überexprimiert	2,02049183
GE84708	11042			5q13	überexprimiert	2,01942281
GE525200	6201	RPS7	ribosomal protein S7	2p25	überexprimiert	2,01807387
GE81449	9518	GDF15	growth differentiation factor 15	19p13.1-13.2	überexprimiert	2,01666166
GE58831	7018	TF	transferrin	3q22.1	überexprimiert	2,01632416
GE60452	5279	PIGC	phosphatidylinositol glycan anchor biosynthesis, class C	1q23-q25	überexprimiert	2,01589737
GE53161	8853	DDEF2	development and differentiation enhancing factor 2	2p25	überexprimiert	2,01578359
GE53224	4660	PPP1R12B	protein phosphatase 1, regulatory (inhibitor) subunit 12B	1q32.1	überexprimiert	2,01577546
GE82509	56923	NMUR2	neuromedin U receptor 2	5q33.1	überexprimiert	2,0156942
GE61503	10509	SEMA4B	sema domain, immunoglobulin domain (Ig), transmembrane domain (TM) and short cytoplasmic domain, (semaphorin) 4B	15q25	überexprimiert	2,01476013
GE790983	10361	NPM2	nucleophosmin/nucleoplasmin, 2	8p21.3	überexprimiert	2,0147033
GE58574	4702	NDUFA8	NADH dehydrogenase (ubiquinone) 1 alpha subcomplex, 8, 19kDa	9q33.2-q34.11	überexprimiert	2,01204005
GE80164	202151	RANBP3L	RAN binding protein 3-like	8q24.3	überexprimiert	2,01161911

GE81705	7922	SLC39A7	solute carrier family 39 (zinc transporter), member 7	6p21.3	überexprimiert	2,01074947
GE54783	5531	PPP4C	protein phosphatase 4 (formerly X), catalytic subunit	16p12-16p11	überexprimiert	2,01070904
GE58084	4100	MAGEA1	melanoma antigen family A, 1 (directs expression of antigen MZ2-E)	Xq28	überexprimiert	2,00764511
GE79539	10423	CDIPT	CDP-diacylglycerol--inositol 3-phosphatidyltransferase (phosphatidylinositol synthase)	16p11.2	überexprimiert	2,00683931
GE83358	84234				überexprimiert	2,00627563
GE81179	5364	PLXNB1	plexin B1	3p21.31	überexprimiert	2,00591746
GE60015	6337	SCNN1A	sodium channel, nonvoltage-gated 1 alpha	12p13	überexprimiert	2,00579675
GE87969	79705	LRRK1	leucine-rich repeat kinase 1	15q26.3	überexprimiert	2,00475528
GE80030	81	ACTN4	actinin, alpha 4	19q13	überexprimiert	2,00433739
GE55932	51057			2p15	überexprimiert	2,00393975
GE59530	8566	PDXK	pyridoxal (pyridoxine, vitamin B6) kinase	21q22.3	überexprimiert	2,00210221
GE82685	64225	ARL6IP2	ADP-ribosylation factor-like 6 interacting protein 2	2p22.2-p22.1	überexprimiert	2,00201403
GE79821	10959	TMED2	transmembrane emp24 domain trafficking protein 2	12q24.31	überexprimiert	2,00167741
GE81736	11212	PROSC	proline synthetase co-transcribed homolog (bacterial)	8p11.2	überexprimiert	2,000004
GE80011	80380	PDCD1LG2	programmed cell death 1 ligand 2	9p24.2	unterexprimiert	2,00228
GE549692	23517	SKIV2L2	superkiller viralicidic activity 2-like 2 ( <i>S. cerevisiae</i> )	5q11.2	unterexprimiert	2,0047
GE54521	3488	IGFBP5	insulin-like growth factor binding protein 5	2q33-q36	unterexprimiert	2,00511
GE79032	4599	MX1	myxovirus (influenza virus) resistance 1, interferon-inducible protein p78 (mouse)	21q22.3	unterexprimiert	2,00608
GE554013	134429	STARD4	START domain containing 4, sterol regulated	5q22.1	unterexprimiert	2,00738
GE879090	400092			13q13.3	unterexprimiert	2,00834
GE571642	139599	MAGEE2	melanoma antigen family E, 2	Xq13.3	unterexprimiert	2,00894
GE63181	7482	WNT2B	wingless-type MMTV integration site family, member 2B	1p13	unterexprimiert	2,00932
GE709192	11146	GLMN	glomulin, FKBP associated protein	1p22.1	unterexprimiert	2,01269
GE87149	118788	PIK3AP1	phosphoinositide-3-kinase adaptor protein 1	10q24.1	unterexprimiert	2,01298

GE84857	80069	C6orf208	chromosome 6 open reading frame 208	6q27	unterexprimiert	2,01559
GE54375	2947	GSTM3	glutathione S-transferase M3 (brain)	1p13.3	unterexprimiert	2,01561
GE61454	53826	FXVD6	FXVD domain containing ion transport regulator 6	11q23.3	unterexprimiert	2,01661
GE495624	120196	C11orf69	chromosome 11 open reading frame 69	11p13	unterexprimiert	2,01778
GE489283	400756			1p31.3	unterexprimiert	2,01829
GE87831	1296	COL8A2	collagen, type VIII, alpha 2	1p34.2	unterexprimiert	2,01837
GE61457	1589	CYP21A2	cytochrome P450, family 21, subfamily A, polypeptide 2	6p21.3	unterexprimiert	2,01876
GE57873	1528	CYB5A	cytochrome b5 type A (microsomal)	18q23	unterexprimiert	2,02081
GE540894	116093	DIRC1	disrupted in renal carcinoma 1	2q33	unterexprimiert	2,02172
GE542038	388306				unterexprimiert	2,02174
GE872577	586	BCAT1	branched chain aminotransferase 1, cytosolic	12pter-q12	unterexprimiert	2,02429
GE86869	91010	FMNL3	formin-like 3	12q13.12	unterexprimiert	2,02485
GE81732	7940	LST1	leukocyte specific transcript 1	6p21.3	unterexprimiert	2,02548
GE56767	4147	MATN2	matrilin 2	8q22	unterexprimiert	2,02673
GE479385	389440			7p12.2	unterexprimiert	2,02959
GE58505	29110	TBK1	TANK-binding kinase 1	12q14.1	unterexprimiert	2,03154
GE83007	80000	KIAA1772	KIAA1772	18q11.1-q11.2	unterexprimiert	2,03209
GE62002	65009	NDRG4	NDRG family member 4	16q21-q22.1	unterexprimiert	2,03397
GE85169	1346	COX7A1	cytochrome c oxidase subunit VIIa polypeptide 1 (muscle)	19q13.1	unterexprimiert	2,03408
GE86468	8395	PIP5K1B	phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase, type I, beta	9q13	unterexprimiert	2,03589
GE511336	387690				unterexprimiert	2,0393
GE60059	1003	CDH5	cadherin 5, type 2, VE-cadherin (vascular epithelium)	16q22.1	unterexprimiert	2,03956
GE83286	83890	SPATA9	spermatogenesis associated 9	5q15	unterexprimiert	2,03997
GE686121	387638	C10orf113	chromosome 10 open reading frame 113		unterexprimiert	2,04344
GE720356	353139	LCE2A	late cornified envelope 2A	5q21.2	unterexprimiert	2,04371
GE84649	25775	C22orf24	chromosome 22 open reading frame 24	22q12.1-q12.3	unterexprimiert	2,04484
GE54581	1780	DYNC1I1	dynein, cytoplasmic 1, intermediate chain 1	7q21.3-q22.1	unterexprimiert	2,04611
GE80270	80705	TSGA10	testis specific, 10	2q11.2	unterexprimiert	2,04634
GE56198	1805	DPT	dermatopontin	1q12-q23	unterexprimiert	2,04643
GE826474	23567	ZNF346	zinc finger protein 346	5q35.2	unterexprimiert	2,04835
GE519631	126969	SLC44A3	solute carrier family 44, member 3	1p21.3	unterexprimiert	2,05152
GE831033	55758	RCOR3	REST corepressor 3	1q32.2-q32.3	unterexprimiert	2,05722

GE83214	81888	HYI	hydroxypyruvate isomerase homolog (E. coli)	1p34.2	unterexprimiert	2,05727
GE866138	388920				unterexprimiert	2,058
GE88014	5099	PCDH7	BH-protocadherin (brain-heart)	4p15	unterexprimiert	2,06258
GE59180	5023	P2RX1	purinergic receptor P2X, ligand-gated ion channel, 1	17p13.3	unterexprimiert	2,06385
GE79805	9643	MORF4L2	mortality factor 4 like 2	Xq22	unterexprimiert	2,06959
GE79308	29995	LMCD1	LIM and cysteine-rich domains 1	3p26-p24	unterexprimiert	2,07039
GE60394	7504	XK	X-linked Kx blood group (McLeod syndrome)	Xp21.1	unterexprimiert	2,0733
GE723246	155063			7q36.1	unterexprimiert	2,07462
GE481041	401459			9q12	unterexprimiert	2,07919
GE824722	3486	IGFBP3	insulin-like growth factor binding protein 3	7p13-p12	unterexprimiert	2,08121
GE517155	284124			17q25.3	unterexprimiert	2,08258
GE56159	5789	PTPRD	protein tyrosine phosphatase, receptor type, D	9p23-p24.3	unterexprimiert	2,08272
GE712663	120892	LRRK2	leucine-rich repeat kinase 2	12q12	unterexprimiert	2,08512
GE79338	374977	C1orf175	chromosome 1 open reading frame 175	3p25.3	unterexprimiert	2,08692
GE556413	8785	MATN4	matrilin 4	20q13.1-q13.2	unterexprimiert	2,08923
GE79105	84308				unterexprimiert	2,08934
GE538421	170685	NUDT10	nudix (nucleoside diphosphate linked moiety X)-type motif 10	11q25	unterexprimiert	2,09435
GE478709	283848			17q25.1	unterexprimiert	2,09767
GE80959	2947	GSTM3	glutathione S-transferase M3 (brain)	1p13.3	unterexprimiert	2,10163
GE56297	283212			11q12.3	unterexprimiert	2,10524
GE83158	80832	APOL4	apolipoprotein L, 4	22q11.2-q13.2	unterexprimiert	2,1112
GE821119	400759				unterexprimiert	2,11306
GE568699	220107	DLEU7	deleted in lymphocytic leukemia, 7	13q14.3	unterexprimiert	2,11364
GE58498	10417	SPON2	spondin 2, extracellular matrix protein	4p16.3	unterexprimiert	2,1161
GE56718	91522	COL23A1	collagen, type XXIII, alpha 1	5q35.3	unterexprimiert	2,12251
GE576029	388628				unterexprimiert	2,12426
GE78965	684	BST2	bone marrow stromal cell antigen 2	19p13.2	unterexprimiert	2,12461
GE537401	340654	LIPL3	lipase-like, ab-hydrolase domain containing 3	11q12.1	unterexprimiert	2,12982
GE86654	80303	EFHD1	EF-hand domain family, member D1	2q37.1	unterexprimiert	2,13316
GE53579	8509	NDST2	N-deacetylase/N-sulfotransferase (heparan glucosaminyl) 2	10q22	unterexprimiert	2,13404
GE53097	23500	DAAM2	dishevelled associated activator of morphogenesis 2	6p21.2	unterexprimiert	2,13727
GE60172	7180	CRISP2	cysteine-rich secretory protein 2	6p21-qter	unterexprimiert	2,13768

GE554926	130535	KCTD18	potassium channel tetramerisation domain containing 18	2q33.1	unterexprimiert	2,13992
GE82736	64943	NT5DC2	5'-nucleotidase domain containing 2	3p21.1	unterexprimiert	2,14052
GE87933	51725	FBXO40	F-box protein 40	3q13.33	unterexprimiert	2,1413
GE57096	9363	RAB33A	RAB33A, member RAS oncogene family	Xq25	unterexprimiert	2,14576
GE524513	146909			17q11.2	unterexprimiert	2,1505
GE659898	157697	ERICH1	glutamate-rich 1	8p22	unterexprimiert	2,15717
GE59133	6854	SYN2	synapsin II	3p25	unterexprimiert	2,15853
GE85874	127435	PODN	podocan	1p32.3	unterexprimiert	2,16115
GE54716	64714	PDIA2	protein disulfide isomerase family A, member 2	16p13.3	unterexprimiert	2,16213
GE523387	387687				unterexprimiert	2,16575
GE88745	220963	SLC16A9	solute carrier family 16, member 9 (monocarboxylic acid transporter 9)	10q11.21	unterexprimiert	2,17319
GE85894	9045	RPL14	ribosomal protein L14	3p22-p21.2	unterexprimiert	2,18207
GE61865	1307	COL16A1	collagen, type XVI, alpha 1	1p35-p34	unterexprimiert	2,19156
GE528815	114801	KIAA1913	KIAA1913	6q23.1	unterexprimiert	2,19424
GE543350	80274	SCUBE1	signal peptide, CUB domain, EGF-like 1	22q13	unterexprimiert	2,19671
GE535765	2645	GCK	glucokinase (hexokinase 4, maturity onset diabetes of the young 2)	7p15.3-p15.1	unterexprimiert	2,1988
GE83119	80258	EFHC2	EF-hand domain (C-terminal) containing 2	Xp11.3	unterexprimiert	2,20125
GE63234	64208	POPDC3	popeye domain containing 3	6q21	unterexprimiert	2,20313
GE54786	256236	NAPSB	napsin B aspartic peptidase pseudogene	17p11.2	unterexprimiert	2,20333
GE746940	3624	INHBA	inhibin, beta A (activin A, activin AB alpha polypeptide)	7p15-p13	unterexprimiert	2,20508
GE82843	55139	ANKZF1	ankyrin repeat and zinc finger domain containing 1	2q35	unterexprimiert	2,20564
GE497436	3227	HOXC11	homeobox C11	12q13.3	unterexprimiert	2,2059
GE803224	391356				unterexprimiert	2,20874
GE83540	84913	ATOH8	atonal homolog 8 (Drosophila)	2p11.2	unterexprimiert	2,20941
GE57118	683	BST1	bone marrow stromal cell antigen 1	4p15	unterexprimiert	2,21008
GE475975	1819	DRG2	developmentally regulated GTP binding protein 2	17p11.2	unterexprimiert	2,21033
GE553892	54221	SNTG2	syntrophin, gamma 2	2p25.3	unterexprimiert	2,21383
GE906554	256076			19q13.33	unterexprimiert	2,21579
GE835116	2947	GSTM3	glutathione S-transferase M3 (brain)	1p13.3	unterexprimiert	2,21581
GE62811	9620	CELSR1	cadherin, EGF LAG seven-pass G-type receptor 1 (flamingo homolog, Drosophila)	22q13.3	unterexprimiert	2,22483

GE788927	115361	GBP4	guanylate binding protein 4	1p22.2	unterexprimiert	2,22564
GE80849	9401	RECQL4	RecQ protein-like 4	8q24.3	unterexprimiert	2,22667
GE81924	27063	ANKRD1	ankyrin repeat domain 1 (cardiac muscle)	10q23.31	unterexprimiert	2,23379
GE517385	83844	USP26	ubiquitin specific peptidase 26	Xq26.2	unterexprimiert	2,2352
GE84982	57669	EPB41L5	erythrocyte membrane protein band 4.1 like 5	2q14.2	unterexprimiert	2,23825
GE842929	389558				unterexprimiert	2,23929
GE60189	3805	KIR2DL4	killer cell immunoglobulin-like receptor, two domains, long cytoplasmic tail, 4	19q13.4	unterexprimiert	2,24106
GE509439	151871	DPPA2	developmental pluripotency associated 2	9p13-p12	unterexprimiert	2,24626
GE62605	64816	CYP3A43	cytochrome P450, family 3, subfamily A, polypeptide 43	7q21.1	unterexprimiert	2,24684
GE504620	57134	MAN1C1	mannosidase, alpha, class 1C, member 1	1p35	unterexprimiert	2,24713
GE56847	7070	THY1	Thy-1 cell surface antigen	11q22.3-q23	unterexprimiert	2,24933
GE59822	3479	IGF1	insulin-like growth factor 1 (somatomedin C)	12q22-q23	unterexprimiert	2,25467
GE53189	26053	AUTS2	autism susceptibility candidate 2	7q11.22	unterexprimiert	2,25502
GE476053	340508			Xq22.1	unterexprimiert	2,25592
GE663105	166979	CDC20B	CDC20 cell division cycle 20 homolog B ( <i>S. cerevisiae</i> )	5p13.2	unterexprimiert	2,26143
GE61410	57126	CD177	CD177 molecule	19q13.2	unterexprimiert	2,26889
GE547127	10887	PROKR1	prokineticin receptor 1	2p13.1	unterexprimiert	2,27061
GE79722	51554	CCRL1	chemokine (C-C motif) receptor-like 1	3q22	unterexprimiert	2,27193
GE61314	57699	CPNE5	copine V	6p21.1	unterexprimiert	2,27288
GE484958	400648				unterexprimiert	2,27626
GE516328	113802	C1orf59	chromosome 1 open reading frame 59	1p13.3	unterexprimiert	2,28334
GE54690	9547	CXCL14	chemokine (C-X-C motif) ligand 14	5q31	unterexprimiert	2,2834
GE79086	2171	FABP5	fatty acid binding protein 5 (psoriasis-associated)	8q21.13	unterexprimiert	2,28578
GE58508	29118	DDX25	DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) box polypeptide 25	11q24	unterexprimiert	2,28837
GE796788	245908	DEFB105A	defensin, beta 105A	20q11.1	unterexprimiert	2,29241
GE84831	23065	KIAA0090	KIAA0090	1p36.13	unterexprimiert	2,29833
GE57212	862	RUNX1T1	runt-related transcription factor 1; translocated to, 1 (cyclin D-related)	8q22	unterexprimiert	2,31876
GE62417	83872	HMCN1	hemicentin 1	1q25.3-q31.1	unterexprimiert	2,32184
GE484783	387974			14q12	unterexprimiert	2,32359

GE541008	54474	KRT20	keratin 20	17q21.2	unterexprimiert	2,33291
GE81154	4481	MSR1	macrophage scavenger receptor 1	8p22	unterexprimiert	2,33895
GE62118	79697	C14orf169	chromosome 14 open reading frame 169	14q24.3	unterexprimiert	2,3441
GE483076	388364	TMIGD1	transmembrane and immunoglobulin domain containing 1		unterexprimiert	2,35484
GE61968	90865	C9orf26	chromosome 9 open reading frame 26 (NF-HEV)	9p24.1	unterexprimiert	2,36906
GE86235	203328	SUSD3	sushi domain containing 3	Xq23	unterexprimiert	2,37757
GE58895	4837	NNMT	nicotinamide N-methyltransferase	11q23.1	unterexprimiert	2,38011
GE83131	80333	KCNIP4	Kv channel interacting protein 4	4p15.31	unterexprimiert	2,3863
GE503487	2892	GRIA3	glutamate receptor, ionotropic, AMPA 3	Xq25-q26	unterexprimiert	2,38863
GE479829	6327	SCN2B	sodium channel, voltage-gated, type II, beta	11q23	unterexprimiert	2,39233
GE59554	6653	SORL1	sortilin-related receptor, L(DLR class) A repeats-containing	11q23.2-q24.2	unterexprimiert	2,39826
GE81917	26238	C6orf123	chromosome 6 open reading frame 123	6q27	unterexprimiert	2,4312
GE632116	6708	SPTA1	spectrin, alpha, erythrocytic 1 (elliptocytosis 2)	1q21	unterexprimiert	2,44182
GE85562	1260	CNGA2	cyclic nucleotide gated channel alpha 2	Xq27	unterexprimiert	2,44672
GE495790	79925			5p13.2	unterexprimiert	2,45327
GE559296	285025			2q31.1	unterexprimiert	2,45702
GE87162	116969	ART5	ADP-ribosyltransferase 5	11p15.4	unterexprimiert	2,45968
GE499003	8366	HIST1H4B	histone cluster 1, H4b	6p21.3	unterexprimiert	2,46215
GE81928	27141	CIDEB	cell death-inducing DFFA-like effector b	14q12	unterexprimiert	2,46417
GE537195	23762	OSBP2	oxysterol binding protein 2	22q12.2	unterexprimiert	2,48108
GE53828	57481			Xq24	unterexprimiert	2,49078
GE695561	2878	GPX3	glutathione peroxidase 3 (plasma)	5q23	unterexprimiert	2,49626
GE873937	3550	IK	IK cytokine, down-regulator of HLA II	2p15-p14	unterexprimiert	2,49837
GE899062	387853	OR7A19P	olfactory receptor, family 7, subfamily A, member 19 pseudogene	12q23.3	unterexprimiert	2,49871
GE55156	9509	ADAMTS2	ADAM metalloproteinase with thrombospondin type 1 motif, 2	5qter	unterexprimiert	2,50759
GE56769	80765	STARD5	START domain containing 5	15q26	unterexprimiert	2,51223
GE549025	257194	NEGR1	neuronal growth regulator 1	5q35.1	unterexprimiert	2,52019
GE61885	84698	CAPS2	calcyphosine 2	12q21.1	unterexprimiert	2,52326
GE86732	91860	CALML4	calmodulin-like 4	15q23	unterexprimiert	2,53693

GE81562	10216	PRG4	proteoglycan 4	1q25-q31	unterexprimiert	2,53916
GE57036	1551	CYP3A7	cytochrome P450, family 3, subfamily A, polypeptide 7	7q21-q22.1	unterexprimiert	2,53997
GE575063	9429	ABCG2	ATP-binding cassette, sub-family G (WHITE), member 2	4q22	unterexprimiert	2,55643
GE54019	2348	FOLR1	folate receptor 1 (adult)	11q13.3-q14.1	unterexprimiert	2,56932
GE58947	3778	KCNMA1	potassium large conductance calcium- activated channel, subfamily M, alpha member 1	10q22.3	unterexprimiert	2,57165
GE86970	25791	NGEF	neuronal guanine nucleotide exchange factor	2q37	unterexprimiert	2,57398
GE54146	8613	PPAP2B	phosphatidic acid phosphatase type 2B	1pter-p22.1	unterexprimiert	2,59571
GE56809	57822	GRHL3	grainyhead-like 3 (Drosophila)	1p36.11	unterexprimiert	2,60772
GE691546	23460	ABCA6	ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 6	17q24.3	unterexprimiert	2,62933
GE56494	26172	C3orf41	chromosome 3 open reading frame 41	3p22.1	unterexprimiert	2,63055
GE86713	8613	PPAP2B	phosphatidic acid phosphatase type 2B	1pter-p22.1	unterexprimiert	2,63451
GE62245	8082	SSPN	sarcospan (Kras oncogene-associated gene)	12p11.2	unterexprimiert	2,65445
GE490474	149499	C1orf92	chromosome 1 open reading frame 92	20q12	unterexprimiert	2,65545
GE81358	7345	UCHL1	ubiquitin carboxyl-terminal esterase L1 (ubiquitin thiolesterase)	4p14	unterexprimiert	2,65739
GE86121	3488	IGFBP5	insulin-like growth factor binding protein 5	2q33-q36	unterexprimiert	2,66694
GE58268	1359	CPA3	carboxypeptidase A3 (mast cell)	3q21-q25	unterexprimiert	2,66872
GE61481	3290	HSD11B1	hydroxysteroid (11-beta) dehydrogenase 1	1q32-q41	unterexprimiert	2,67159
GE507080	83850	FAM62C	family with sequence similarity 62 (C2 domain containing), member C	3q22.3	unterexprimiert	2,68226
GE81775	7799	PRDM2	PR domain containing 2, with ZNF domain	1p36.21	unterexprimiert	2,6917
GE841986	400759				unterexprimiert	2,69562
GE57586	1066	CES1	carboxylesterase 1 (monocyte/macrophage serine esterase 1)	16q13-q22.1	unterexprimiert	2,70418
GE54301	1346	COX7A1	cytochrome c oxidase subunit VIIa polypeptide 1 (muscle)	19q13.1	unterexprimiert	2,71261
GE88789	339903				unterexprimiert	2,71465
GE762501	346689			Xp11.21	unterexprimiert	2,72309

GE565721	3290	HSD11B1	hydroxysteroid (11-beta) dehydrogenase 1	1q32-q41	unterexprimiert	2,73569
GE62575	203413			10q22.3	unterexprimiert	2,73739
GE490560	148345	C1orf127	chromosome 1 open reading frame 127	1q42.2	unterexprimiert	2,74194
GE877819	346355			7p15.3	unterexprimiert	2,74377
GE62684	9628	RGS6	regulator of G-protein signalling 6	14q24.3	unterexprimiert	2,74827
GE550955	339531			2p23.3	unterexprimiert	2,75794
GE59991	4666	NACA	nascent-polypeptide-associated complex alpha polypeptide	12q23-q24.1	unterexprimiert	2,76116
GE62506	5126	PCSK2	proprotein convertase subtilisin/kexin type 2	20p11.2	unterexprimiert	2,76921
GE519750	164153	UBL4B	ubiquitin-like 4B	2p23.3	unterexprimiert	2,77463
GE79051	6653	SORL1	sortilin-related receptor, L(DLR class) A repeats-containing	11q23.2-q24.2	unterexprimiert	2,77884
GE58924	3778	KCNMA1	potassium large conductance calcium- activated channel, subfamily M, alpha member 1	10q22.3	unterexprimiert	2,80204
GE61082	57016	AKR1B10	aldo-keto reductase family 1, member B10 (aldose reductase)	7q33	unterexprimiert	2,82964
GE59573	8412	BCAR3	breast cancer anti-estrogen resistance 3	1p22.1	unterexprimiert	2,83606
GE56567	339829	CCDC39	coiled-coil domain containing 39	3p21.31	unterexprimiert	2,85049
GE81090	1805	DPT	dermatopontin	1q12-q23	unterexprimiert	2,86583
GE885731	55714	ODZ3	odz, odd Oz/ten-m homolog 3 (Drosophila)	4q35.1	unterexprimiert	2,87659
GE87352	255631	COL24A1	collagen, type XXIV, alpha 1	1p32.3	unterexprimiert	2,89054
GE59282	8406	SRPX	sushi-repeat-containing protein, X- linked	Xp21.1	unterexprimiert	2,89827
GE479377	80078			6q14	unterexprimiert	2,90103
GE82491	3118	HLA-DQA2	major histocompatibility complex, class II, DQ alpha 2	6p21.3	unterexprimiert	2,90699
GE85541	165	AEBP1	AE binding protein 1	7p13	unterexprimiert	2,92001
GE769937	170689	ADAMTS15	ADAM metallopeptidase with thrombospondin type 1 motif, 15	5p15	unterexprimiert	2,93811
GE62943	11185	INMT	indolethylamine N-methyltransferase	7p15.3-p15.2	unterexprimiert	2,94801
GE57550	1428	CRYM	crystallin, mu	16p13.11-p12.3	unterexprimiert	2,96565
GE62331	720	C4A	complement component 4A (Rodgers blood group)	6p21.3	unterexprimiert	3,00586
GE535515	152330	CNTN4	contactin 4	3q13.32	unterexprimiert	3,01762
GE81143	3953	LEPR	leptin receptor	1p31	unterexprimiert	3,03924
GE535482	8332	HIST1H2AL	histone cluster 1, H2al	6p22-p21.3	unterexprimiert	3,05966
GE847930	340542	NGFRAP1L1	NGFRAP1-like 1	10q23.31	unterexprimiert	3,06308

GE55618	171024	SYNPO2	synaptopodin 2	Xp22.32	unterexprimiert	3,07145
GE486430	2786	GNG4	guanine nucleotide binding protein (G protein), gamma 4	1q42.3	unterexprimiert	3,09858
GE62371	57689	LRRC4C	leucine rich repeat containing 4C	11p12	unterexprimiert	3,13535
GE555043	23566	EDG7	endothelial differentiation, lysophosphatidic acid G-protein-coupled receptor, 7	1p22.3-p31.1	unterexprimiert	3,1791
GE79054	970	CD70	CD70 molecule	19p13	unterexprimiert	3,207
GE88702	2171	FABP5	fatty acid binding protein 5 (psoriasis-associated)	8q21.13	unterexprimiert	3,34921
GE83271	114900	C1QTNF4	C1q and tumor necrosis factor related protein 4	11q11	unterexprimiert	3,3519
GE81525	3429	IFI27	interferon, alpha-inducible protein 27	14q32	unterexprimiert	3,37758
GE80527	114898	C1QTNF2	C1q and tumor necrosis factor related protein 2	5q33.3	unterexprimiert	3,38169
GE79165	1295	COL8A1	collagen, type VIII, alpha 1	3q12.3	unterexprimiert	3,39567
GE905931	85445	CNTNAP4	contactin associated protein-like 4	16q23.1	unterexprimiert	3,4461
GE55702	220906			10q21.1	unterexprimiert	3,51563
GE61584	53827	FXVD5	FXVD domain containing ion transport regulator 5	19q12-q13.1	unterexprimiert	3,52395
GE85666	3710	ITPR3	inositol 1,4,5-triphosphate receptor, type 3	6p21	unterexprimiert	3,55125
GE57960	7134	TNNC1	troponin C type 1 (slow)	3p21.3-p14.3	unterexprimiert	3,5658
GE565493	115265	DDIT4L	DNA-damage-inducible transcript 4-like	4q23	unterexprimiert	3,57594
GE88530	3429	IFI27	interferon, alpha-inducible protein 27	14q32	unterexprimiert	3,58652
GE83497	84814	PPAPDC3	phosphatidic acid phosphatase type 2 domain containing 3	9q34.13	unterexprimiert	3,60078
GE63111	2171	FABP5	fatty acid binding protein 5 (psoriasis-associated)	8q21.13	unterexprimiert	3,67989
GE62490	4803	NGFB	nerve growth factor, beta polypeptide	1p13.1	unterexprimiert	3,86055
GE79808	3778	KCNMA1	potassium large conductance calcium-activated channel, subfamily M, alpha member 1	10q22.3	unterexprimiert	3,86916
GE56729	91298	C12orf29	chromosome 12 open reading frame 29	12q21.32	unterexprimiert	3,95634
GE896333	388701	C1orf189	chromosome 1 open reading frame 189	1q31.3	unterexprimiert	3,9588
GE578798	143379	C10orf82	chromosome 10 open reading frame 82	10q25.3	unterexprimiert	4,08215
GE861089	219348	PLAC9	placenta-specific 9	11q11	unterexprimiert	4,12997
GE56108	81578	COL21A1	collagen, type XXI, alpha 1	6p12.3-p11.2	unterexprimiert	4,21324

GE85647	126129	CPT1C	carnitine palmitoyltransferase 1C	19q13.33	unterexprimiert	4,25568
GE53242	10344	CCL26	chemokine (C-C motif) ligand 26	7q11.23	unterexprimiert	4,26388
GE82340	55283	MCOLN3	mucolipin 3	1p22.3	unterexprimiert	4,27405
GE86961	23460	ABCA6	ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 6	17q24.3	unterexprimiert	4,32401
GE82158	53405	CLIC5	chloride intracellular channel 5	6p12.1-21.1	unterexprimiert	4,35427
GE81167	5176	SERPINF1	serpin peptidase inhibitor, clade F (alpha-2 antiplasmin, pigment epithelium derived factor), member 1	17p13.1	unterexprimiert	4,3828
GE82890	79696	C14orf140	chromosome 14 open reading frame 140	14q24.3	unterexprimiert	4,38601
GE83517	84870	RSPO3	R-spondin 3 homolog (Xenopus laevis)	6q22.33	unterexprimiert	4,39564
GE54482	91977	MYOZ3	myozenin 3	5q33.1	unterexprimiert	4,47056
GE551446	81616	ACSBG2	acyl-CoA synthetase bubblegum family member 2	19p13.3	unterexprimiert	4,65834
GE59786	2192	FBLN1	fibulin 1	22q13.31	unterexprimiert	4,66822
GE53751	23280				unterexprimiert	4,80137
GE57230	2662	GDF10	growth differentiation factor 10	10q11.22	unterexprimiert	4,80771
GE82758	66002	CYP4F12	cytochrome P450, family 4, subfamily F, polypeptide 12	19p13.1	unterexprimiert	5,04002
GE62583	66035	SLC2A11	solute carrier family 2 (facilitated glucose transporter), member 11	22q11.2	unterexprimiert	5,10049
GE57545	2949	GSTM5	glutathione S-transferase M5	1p13.3	unterexprimiert	5,14557
GE891113	203238	C9orf93	chromosome 9 open reading frame 93	9q22.31	unterexprimiert	5,17115
GE86948	84944	MAEL	maelstrom homolog (Drosophila)	1q24.1	unterexprimiert	5,19844
GE54901	51299	NRN1	neuritin 1	6p25.1	unterexprimiert	5,42921
GE63253	57282	SLC4A10	solute carrier family 4, sodium bicarbonate transporter-like, member 10	2q23-q24	unterexprimiert	5,58916
GE506251	148741	ANKRD35	ankyrin repeat domain 35	1p21.2	unterexprimiert	5,67732
GE61564	249	ALPL	alkaline phosphatase, liver/bone/kidney	1p36.1-p34	unterexprimiert	5,70433
GE619004	54505	DHX29	DEAH (Asp-Glu-Ala-His) box polypeptide 29	5q11.2	unterexprimiert	5,86324
GE83250	89822	KCNK17	potassium channel, subfamily K, member 17	6p21.1	unterexprimiert	5,99067
GE62001	22871	NLGN1	neuroligin 1	3q26.31	unterexprimiert	6,02434
GE841830	11185	INMT	indolethylamine N-methyltransferase	7p15.3-p15.2	unterexprimiert	6,68563
GE55731	57687			16q23.1	unterexprimiert	6,80881
GE62541	776	CACNA1D	calcium channel, voltage-dependent, L type, alpha 1D subunit	3p14.3	unterexprimiert	7,23738

GE83553	84935	C13orf33	chromosome 13 open reading frame 33	13q12.3	unterexprimiert	7,5025
GE81222	6424	SFRP4	secreted frizzled-related protein 4	7p14.1	unterexprimiert	7,55588
GE799304	27129	HSPB7	heat shock 27kDa protein family, member 7 (cardiovascular)	1p36.23-p34.3	unterexprimiert	8,344
GE753422	84624	FNDC1	fibronectin type III domain containing 1	6q25	unterexprimiert	8,7531
GE58418	5950	RBP4	retinol binding protein 4, plasma coagulation factor II (thrombin)	10q23-q24	unterexprimiert	8,80361
GE61388	2149	F2R	receptor	5q13	unterexprimiert	9,01797
GE555740	5212	VIT	vitrin	2p22-p21	unterexprimiert	10,7467
GE59267	6357	CCL13	chemokine (C-C motif) ligand 13	17q11.2	unterexprimiert	16,3617